

Erreger der meldepflichtigen Infektion/Intoxikation	Burgenland	Kärnten	Niederösterreich	Oberösterreich	Salzburg	Steiermark	Tirol	Vorarlberg	Wien	Unbekannt	Gesamt Ö, Q2	Gesamt Ö, Q1+Q2
A/H5N1-Virus (Vogelgrippe)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Bacillus anthracis (Milzbrand)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Bordetella pertussis (Pertussis)	0	13	9	17	24	31	13	2	15	0	124	648
Borrelia recurrentis (Läuserückfallfieber)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Brucella spp. (Brucellose)	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	2	3
Burkholderia mallei (Malleus)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Campylobakter spp., darmpathogen (Campylobakteriose)	41	100	205	205	109	183	150	77	196	0	1266	2249
Chikungunyavirus (Chikungunya)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Chlamydia trachomatis (Trachom)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Chlamydophila psittaci (Psittakose)	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	2
Clostridium botulinum (Botulismus)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Clostridium difficile (CDI) (a)	0	1	16	1	2	1	1	0	28	0	50	151

Erreger der meldepflichtigen Infektion/Intoxikation	Burgenland	Kärnten	Niederösterreich	Oberösterreich	Salzburg	Steiermark	Tirol	Vorarlberg	Wien	Unbekannt	Gesamt Ö, Q2	Gesamt Ö, Q1+Q2
Denguevirus (Denguefieber, hämorragisches Denguefieber und Dengue-Schock-Syndrom (DSS))	0	0	1	0	0	0	0	0	2	0	3	35
Diphtherie-Toxin bildendes Corynebacterium diphtheriae, ulcerans, pseudotuberculosis	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	1
Ebolavirus (Ebolafieber)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Echinococcus spp. Echinokokkose (b)	0	0	0	0	1	0	0	0	4	0	5	12
Entamoeba histolytica (Amoebiasis)	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	2	2
Enterotoxin bildender Staphylokokkus aureus	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2
Francisella tularensis (Tularämie)	0	0	1	4	1	0	1	0	0	0	7	12
Frühsommer-Meningoenzephalitis Virus (FSME)	0	7	11	21	13	14	18	5	0	0	89	91
Gelbfiebervirus (Gelbfieber)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Haemophilus influenzae, invasiv (IHE)	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	19

Erreger der meldepflichtigen Infektion/Intoxikation	Burgenland	Kärnten	Niederösterreich	Oberösterreich	Salzburg	Steiermark	Tirol	Vorarlberg	Wien	Unbekannt	Gesamt Ö, Q2	Gesamt Ö, Q1+Q2
Hantavirus (Hantavirus-Erkrankung; beinhaltete jede Form der klinischen Manifestation)	0	0	1	0	0	7	0	0	0	0	8	15
Hepatitis-A-Virus (Hepatitis A)	0	0	1	3	0	0	0	0	3	0	7	17
Hepatitis-B-Virus (Hepatitis B) (c)	6	0	31	33	14	15	6	18	82	0	205	465
Hepatitis-C-Virus (Hepatitis C) (c)	3	7	30	23	7	32	8	9	57	0	176	435
Hepatitis-D-Virus (Hepatitis D)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Hepatitis-E-Virus (Hepatitis E)	0	1	1	3	0	4	0	0	2	0	11	38
Krim Kongo Virus (Krim Kongo Fieber)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Lassavivirus (Lassafieber)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Legionella spp. (Legionellose)	1	4	4	6	11	7	5	5	5	0	48	83
Leptospira interrogans (Leptospirose)	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	2
Listeria monocytogenes (Listeriose)	0	1	0	1	0	2	0	0	1	0	5	12
Marburgvirus (Marburgfieber)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Masernvirus (Masern)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	25

Erreger der meldepflichtigen Infektion/Intoxikation	Burgenland	Kärnten	Niederösterreich	Oberösterreich	Salzburg	Steiermark	Tirol	Vorarlberg	Wien	Unbekannt	Gesamt Ö, Q2	Gesamt Ö, Q1+Q2
Middle East Respiratory Syndrome Coronavirus (MERS-CoV)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Mycobacterium leprae (Lepra)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Mycobacterium tuberculosis complex (Tuberkulose)	2	3	11	16	5	12	12	2	26	0	89	199
Neisseria meningitidis, invasiv (IME)	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	8
Plasmodium spp. (Malaria)	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	2	20
Poliovirus (Poliomyelitis)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Rabiesvirus, Lyssavirus (Tollwut)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Rickettsia prowazekii (Fleckfieber)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Rubella-Virus (Röteln)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Salmonella Paratyphi (Paratyphus)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1
Salmonella spp. andere als Salmonella Typhi/ Salmonella Paratyphi (Salmonellose)	4	6	29	28	19	28	9	3	19	0	145	313
Salmonella Typhi (Typhus abdominalis)	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	1
SARS-Coronavirus (SARS)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

Erreger der meldepflichtigen Infektion/Intoxikation	Burgenland	Kärnten	Niederösterreich	Oberösterreich	Salzburg	Steiermark	Tirol	Vorarlberg	Wien	Unbekannt	Gesamt Ö, Q2	Gesamt Ö, Q1+Q2
Shigatoxin/Verotoxin bildende E. coli (STEC/VTEC)	1	1	4	11	16	2	8	12	7	0	62	106
Shigella spp. (Shigellose)	0	1	0	0	0	1	1	0	1	0	4	20
Streptococcus pneumoniae, invasiv (IPE)	0	1	8	5	3	2	1	1	10	0	31	235
Humane Transmissible spongiforme Enzephalopathien (sCJD, qCJD, erworbene CJD)	0	0	1	1	0	0	0	0	1	0	3	10
Trichinella spiralis (Trichinose)	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	2
Variola Virus (Pocken)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Vibrio cholerae (Cholera)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
West-Nil Virus (West Nil Fieber)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Yersinia enterocolitica (Yersiniose)	3	2	5	3	0	1	2	2	5	0	23	58
Yersinia pestis (Pest)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Zikavirus (Zika-Virus Infektion)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1

Erreger der meldepflichtigen Infektion/Intoxikation	Burgenland	Kärnten	Niederösterreich	Oberösterreich	Salzburg	Steiermark	Tirol	Vorarlberg	Wien	Unbekannt	Gesamt Ö, Q2	Gesamt Ö, Q1+Q2
Sonstiges												
Bissverletzung	0	1	0	2	0	0	0	0	3	0	6	14
Sonstige darmpathogene E. coli Stämme (E.coli Enteritis)	0	0	11	0	0	0	0	1	4	0	16	27
Norovirus (Norovirus-Gastroenteritis)	2	0	16	3	0	1	7	2	7	0	38	678
Rotavirus (Rotavirus-Gastroenteritis)	0	0	4	1	0	3	0	6	4	0	18	64
sonstige invasive bakterielle Erkrankung (Meningitis, Sepsis)	0	1	1	0	0	0	2	0	2	0	6	11
sonstige virusbedingte Meningoencephalitis	2	2	5	2	0	4	1	2	1	0	19	40
S. agalactiae (Streptokokkenmeningitis Gruppe B bei Neugeborenen)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1
sonstige bakterielle Lebensmittelvergiftung	0	0	9	1	0	0	0	0	2	0	12	24
sonstige virale Lebensmittelvergiftung	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	2	28
Streptokokken A (Scharlach)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1

a) Clostridium difficile: Die quartalaggregierte Anzahl von Fällen des Clostridium difficile-Nachweises (i.e.) im Stuhl beinhaltet Fälle von Kolonisation, milder Infektion und schwerer Infektion (letzteres im Sinne der Meldeverpflichtung).

b) Echinokokkose ssp.: Die Fallzahl beinhaltet Echinococcus granulosus (n=4), Echinococcus multilocularis (n=2) und Echinococcus nicht spezifizierbar (n=1).

c) Hepatitis B/C: beinhaltet die im betreffenden Monat neu/erstmals diagnostizierten Fälle; prävalente Fälle von Infektionen können auch noch inkludiert sein (Validierungsprozess im Laufen!).