

Surveillance 2019	Erkrankung (Fallzahl) nach Bundesland, 2019									Erkrankungen gesamt Ö, 2019	Ausgang Tod* Ö, 2019
	Burgenland	Kärnten	Niederösterreich	Oberösterreich	Salzburg	Steiermark	Tirol	Vorarlberg	Wien		
A/H5N1-Virus (Vogelgrippe)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Bacillus anthracis (Milzbrand)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Bordetella pertussis (Pertussis)	42	78	283	414	490	482	275	32	137	2233	1
Borrelia recurrentis (Läuserückfallfieber)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Brucella spp. (Brucellose)	0	0	2	0	0	1	1	0	2	6	0
Burkholderia mallei (Malleus)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Campylobakter spp., darmpathogen (Campylobakteriose)	291	344	1218	966	540	841	645	347	1381	6573	6
Chikungunyavirus (Chikungunya)	1	0	6	0	0	1	1	0	8	17	0
Chlamydia trachomatis (Trachom)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Chlamydophila psittaci (Psittakose)	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0
Clostridium botulinum (Botulismus)	0	0	0	2	0	0	0	0	0	2	0
Clostridium difficile (CDI) (a)	11	6	133	11	42	2	2	3	244	454	30

Erreger der meldepflichtigen Infektion/Intoxikation	Burgenland	Kärnten	Niederösterreich	Oberösterreich	Salzburg	Steiermark	Tirol	Vorarlberg	Wien	Erkrankungen gesamt Ö, 2019	Ausgang Tod* Ö, 2019
Denguevirus (Denguefieber, hämorrhagisches Denguefieber und Dengue-Schock-Syndrom (DSS))	7	2	25	22	22	6	11	4	43	142	0
Diphtherie-Toxin bildendes Corynebacterium diphtheriae, ulcerans, pseudotuberculosis (Diphtherie)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Ebolavirus (Ebolafieber)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Echinococcus spp. Echinokokkose (b)	2	1	5	2	3	3	6	3	11	36	0
Entamoeba histolytica (Amoebiasis)	0	0	1	0	1	0	0	0	0	2	0
Enterotoxin bildender Staphylokokkus aureus (Lebensmittelbedingte Intoxikation)	0	0	3	0	0	0	0	0	0	3	0
Francisella tularensis (Tularämie)	0	0	6	7	1	1	4	1	0	20	0
Frühsommer-Meningoenzephalitis Virus (FSME)	1	5	8	39	10	14	21	4	4	106	2
Gelbfiebervirus (Gelbfieber)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Haemophilus influenzae, invasiv (IHE)	0	4	12	9	6	2	5	8	18	64	6

Erreger der meldepflichtigen Infektion/Intoxikation	Burgenland	Kärnten	Niederösterreich	Oberösterreich	Salzburg	Steiermark	Tirol	Vorarlberg	Wien	Erkrankungen gesamt Ö, 2019	Ausgang Tod* Ö, 2019
Hantavirus (Hantavirus-Erkrankung; beinhaltet jede Form der klinischen Manifestation)	8	6	2	11	2	238	4	0	5	276	0
Hepatitis-A-Virus (Hepatitis A)	3	3	14	14	9	6	2	0	25	76	1
Hepatitis-B-Virus (Hepatitis B) (c)	25	37	183	117	74	75	81	47	567	1206	8
Hepatitis-C-Virus (Hepatitis C) (d)	38	55	143	133	61	138	87	65	463	1183	12
Hepatitis-D-Virus (Hepatitis D)	0	1	3	0	0	2	2	0	10	18	0
Hepatitis-E-Virus (Hepatitis E)	3	6	21	31	3	15	5	0	10	94	0
Krim Kongo Virus (Krim Kongo Fieber)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Lassavirus (Lassafieber)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Legionella spp. (Legionellose)	8	11	36	37	23	34	53	14	39	255	11
Leptospira interrogans (Leptospirose)	1	1	5	5	0	9	0	0	3	24	0
Listeria monocytogenes (Listeriose)	0	6	4	3	2	9	3	2	9	38	6
Marburgvirus (Marburgfieber)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Masernvirus (Masern)	1	25	13	2	17	45	11	2	35	151	0

Erreger der meldepflichtigen Infektion/Intoxikation	Burgenland	Kärnten	Niederösterreich	Oberösterreich	Salzburg	Steiermark	Tirol	Vorarlberg	Wien	Erkrankungen gesamt Ö, 2019	Ausgang Tod* Ö, 2019
Middle East Respiratory Syndrome Coronavirus (MERS-CoV)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Mycobacterium leprae (Lepra)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Mycobacterium tuberculosis complex (Tuberkulose) (e)	13	20	63	87	28	55	25	9	174	474	41
Neisseria meningitidis, invasiv (IME)	0	2	6	2	2	4	5	0	3	24	4
Plasmodium spp. (Malaria)	1	7	4	10	9	6	12	3	20	72	2
Poliovirus (Poliomyelitis)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Rabiesvirus, Lyssavirus (Tollwut)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Rickettsia prowazekii (Fleckfieber)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Rubella-Virus (Röteln)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Salmonella Paratyphi (Paratyphus)	0	0	0	1	0	1	1	0	1	4	0
Salmonella spp. andere als Salmonella Typhi/ Salmonella Paratyphi (Salmonellose)	76	84	408	268	90	274	176	68	424	1868	5
Salmonella Typhi (Typhus abdominalis)	0	0	1	3	0	1	0	0	6	11	0
SARS-Coronavirus (SARS)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

Erreger der meldepflichtigen Infektion/Intoxikation	Burgenland	Kärnten	Niederösterreich	Oberösterreich	Salzburg	Steiermark	Tirol	Vorarlberg	Wien	Erkrankungen gesamt Ö, 2019	Ausgang Tod* Ö, 2019
Shigatoxin/Verotoxin bildende E. coli (STEC/VTEC)	0	15	34	46	82	15	31	24	39	286	1
Shigella spp. (Shigellose)	0	0	5	10	12	14	5	6	20	72	0
Streptococcus pneumoniae, invasiv (IPE)	12	33	109	92	40	83	61	31	154	615	50
Humane Transmissible spongiforme Enzephalopathien (sCJD, qCJD, erworbene CJD) (f)	1	1	4	4	3	1	0	1	4	19	19
Trichinella spiralis (Trichinose)	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0
Variola Virus (Pocken)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Vibrio cholerae (Cholera)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
West-Nil Virus (West Nil Fieber)	0	0	3	0	0	0	0	0	1	4	0
Yersinia enterocolitica (Yersiniose) (g)	2	13	16	23	3	19	7	6	23	112	0
Yersinia pestis (Pest)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Zikavirus (Zika-Virus Infektion)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

Erreger der meldepflichtigen Infektion/Intoxikation	Burgenland	Kärnten	Niederösterreich	Oberösterreich	Salzburg	Steiermark	Tirol	Vorarlberg	Wien	Erkrankungen gesamt Ö, 2019	Ausgang Tod* Ö, 2019
<b>Sonstiges</b>											
Bissverletzung	0	20	1	5	0	0	3	0	28	57	0
Sonstige darmpathogene E. coli Stämme (E.coli Enteritis)	0	0	68	2	4	0	0	10	10	94	0
Norovirus (Norovirus-Gastroenteritis) (h)	84	28	513	550	9	129	281	104	202	1900	5
Rotavirus (Rotavirus-Gastroenteritis)	1	1	69	49	0	26	14	28	96	284	2
sonstige invasive bakterielle Erkrankung (Meningitis, Sepsis)	0	1	4	1	0	0	1	0	8	15	9
sonstige virusbedingte Meningoencephalitis	4	12	26	35	0	13	7	12	15	124	0
S. agalactiae (Streptokokkenmeningitis Gruppe B bei Neugeborenen)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
sonstige bakterielle Lebensmittelvergiftung	0	5	60	0	0	0	0	0	7	72	0
sonstige virale Lebensmittelvergiftung	0	0	53	0	0	8	0	0	13	74	0
Streptokokken A (Scharlach) (i)	0	0	0	4	0	1	0	16	1	22	0

<p><i>Der Prozess der Datenqualitätssicherung und die noch ausstehende Ergebnisse von mikrobiologischen Untersuchungen können zu geringfügigen Änderungen der endgültigen Anzahl von Fällen der meldepflichtigen Krankheiten führen.</i></p>
<p>(a) Clostridium difficile: Die jahresaggregierte Anzahl von Fällen des Clostridium difficile-Nachweises (i.e.) im Stuhl beinhaltet neben den Fällen von schwerer Infektion (letzteres im Sinne der Meldepflichtung) auch Fälle von asymptomatischer Kolonisation und milder Infektion (da verpflichtende Arztmeldung nicht immer vorhanden).</p>
<p>(b) Echinokokkose ssp.: Die Fallzahl beinhaltet Echinococcus granulosus (n=16) , Echinococcus multilocularis (n=14) und Echinococcus nicht spezifizierbar (n=6).</p>
<p>(c) Hepatitis B Virus: beinhaltet die neu bzw. erstmalig diagnostizierten Fälle von HBV-Infektion. Für Meldungen, die derzeit noch mit keiner Arztmeldung versehen sind, kann das Zutreffen des Melde-Kriterium "neu bzw. erstmalig diagnostiziert" nicht garantiert werden (HBV-Infektion ohne Arztmeldung: n: 138).</p>
<p>(d) Hepatitis C Virus: beinhaltet die neu bzw. erstmalig diagnostizierten Fälle von HCV-Infektion (inkludiert gegenwärtig noch jene Fälle mit HCV-spezifischer Antikörperreaktion ohne Bestätigung durch HCV-RNA Nachweis). Für Meldungen, die derzeit noch mit keiner Arztmeldung versehen sind, kann das Zutreffen des Melde-Kriterium "neu bzw.</p>
<p>(e) Mycobacterium tuberculosis complex: maximal mögliche Nachverfolgungszeit beträgt 36 Monate nach Therapiestart.</p>
<p>(f) Transmissible spongiforme Enzephalopathien: es handelt sich bei allen 19 Fällen um sporadische CJK.</p>
<p>(g) Yersinia enterocolitica: bei ausschließlich molekularbiologischer Identifikation von Yersinia spp. kann keine Aussage über Humanpathogenität getroffen werden: n: 15</p>
<p>(h) Norovirus: beinhaltet auch Fälle ohne Beweis eines Zusammenhanges mit dem Verzehr von Lebensmittel</p>
<p>(i) Streptokokken A: laborbestätigter Fall einer Infektion mit pyogenen Streptokokken und Vorliegen des charakteristischen skarlatiniformen Exanthem</p>
<p>*Tödlicher Ausgang innerhalb von 30 Tagen nach Erkrankungsbeginn mit Ausnahme Tuberkulose siehe "f"</p>
<p> </p>