Vorläufiger Jahresbericht meldepflichtige Erkrankungen 2022
Stand: 13.02.2023

Bundesministerium
Soziales, Gesundheit, Pflege
und Konsumentenschutz

Erreger der meldepflichtigen Infektion/Intoxikation	Burgenland	Kärnten	Niederösterreich	Oberösterreich	Salzburg	Steiermark	Tirol	Vorarlberg	Wien	Erkrankungen gesamt Ö, 2022	Ausgang Tod* Ö, 2022
A/H5N1-Virus (Vogelgrippe)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	**0**	0
Bacillus anthracis (Milzbrand)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	**0**	0
Bordetella pertussis (Pertussis)	3	2	9	13	36	89	6	3	3	**164**	0
Borrelia recurrentis (Rückfallfieber)	0	0	0	0	0	0	0	0	1	**1**	0
Brucella spp. (Brucellose)	0	1	0	1	3	0	0	1	1	**7**	0
Burkholderia mallei (Malleus)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	**0**	0
Campylobakter spp., darmpathogen (Campylobakteriose)	283	276	1090	1054	520	809	741	342	1180	**6295**	11
Chikungunyavirus (Chikungunya)	0	0	1	0	0	0	0	0	2	**3**	0
Chlamydia trachomatis (Trachom)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	**0**	0
Chlamydophila psittaci (Psittakose)	0	0	0	1	0	0	0	0	1	**2**	0
Clostridium botulinum (Botulismus)	1	0	0	0	0	0	0	0	0	**1**	0
Clostridium difficile (CDI) (a)	26	2	150	3	6	60	11	0	314	**572**	19

Denguevirus (Denguefieber, hämorraghisches Denguefieber und Dengue-Schock-Syndrom (DSS))	1	2	13	3	4	4	5	5	19	**56**	0
Diphtherie-Toxin bildendes Corynebacterium diphtheriae, ulcerans, pseudotuberculosis (Diphtherie) (b)	1	9	24	7	17	2	0	0	2	**62**	1
Ebolavirus (Ebolafieber)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	**0**	0
Echinococcus granulosus (Echinococcose durch Hundebandwurm) (c)	0	0	6	2	1	3	6	0	12	**30**	0
Echinococcus multilocularis (Echinococcose durch Fuchsbandwurm) (c)	1	1	4	0	4	3	7	2	2	**24**	0
Entamoeba histolytica (Amoebiasis)	1	0	1	1	2	1	1	0	2	**9**	0
Enterotoxin bildender Staphylokokkus aureus (Lebensmittelbedingte Intoxikation)	0	0	6	0	0	0	0	0	1	**7**	0
Francisella tularensis (Tularämie)	0	0	10	13	4	2	2	0	4	**35**	1
Frühsommer-Meningoenzephalitis Virus (FSME)	1	5	20	63	28	25	45	13	4	**204**	3
Gelbfiebervirus (Gelbfieber)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	**0**	0
Haemophilus influenzae, invasiv (IHE)	2	3	15	9	8	9	5	4	23	**78**	11
Hantavirus (Hantavirus-Erkrankung; beinhaltete jede Form der klinischen Manifestation)	4	1	1	1	0	17	0	0	0	**24**	0
Hepatitis-A-Virus (Hepatitis A)	2	0	13	10	2	12	7	1	18	**65**	1
Hepatitis-B-Virus (Hepatitis B) (d)	14	35	145	113	38	78	58	41	359	**881**	5

Hepatitis-C-Virus (Hepatitis C) (e)	16	44	183	93	53	125	59	48	299	**920**	9
Hepatitis-D-Virus (Hepatitis D)	0	0	2	0	0	1	0	1	5	**9**	0
Hepatitis-E-Virus (Hepatitis E)	6	1	18	5	0	4	3	0	10	**47**	0
Krim Kongo Virus (Krim Kongo Fieber)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	**0**	0
Lassavirus (Lassafieber)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	**0**	0
Legionella spp. (Legionellose)	4	17	60	34	18	39	66	24	51	**313**	12
Leptospira interrogans (Leptospirose)	0	0	1	3	5	1	0	0	0	**10**	1
Listeria monocytogenes (Listeriose)	2	3	8	2	5	9	3	2	13	**47**	10
Marburgvirus (Marburgfieber)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	**0**	0
Masernvirus (Masern)	0	0	1	0	0	0	0	0	0	**1**	0
Middle East Respiratory Syndrome Coronavirus (MERS-CoV)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	**0**	0
Mpox (Affenpocken)	5	3	29	8	8	12	18	7	237	**327**	0
Mycobacterium leprae (Lepra)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	**0**	0
Mycobacterium tuberculosis complex (Tuberkulose) (f)	0	14	84	49	25	44	24	19	135	**394**	19
Neisseria meningitidis, invasiv (IME)	1	0	0	0	0	0	2	0	4	**7**	0

Plasmodium spp. (Malaria)	0	3	12	13	7	6	6	1	26	**74**	0
Poliovirus (Poliomyelitis)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	**0**	0
Rabiesvirus, Lyssavirus (Tollwut)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	**0**	0
Rickettsia prowazekii (Fleckfieber)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	**0**	0
Rubella-Virus (Röteln)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	**0**	0
Salmonella Paratyphi (Paratyphus)	0	0	0	0	0	0	0	0	3	**3**	0
Salmonella spp. andere als Salmonella Typhi/ Salmonella Paratyphi (Salmonellose)	48	39	221	198	80	144	125	50	290	**1195**	2
Salmonella Typhi (Typhus abdominalis)	0	0	0	0	1	0	0	0	5	**6**	0
SARS-Coronavirus (SARS)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	**0**	0
SARS-CoV-2 (COVID-19)	152758	236803	875294	723555	274911	555435	372311	191760	1053139	**4435966**	4693
Shigatoxin/Verotoxin bildende E. coli (STEC/VTEC)	1	10	46	127	97	28	41	34	85	**469**	3
Shigella spp. (Shigellose)	1	3	14	10	9	9	6	0	39	**91**	0
Streptococcus pneumoniae, invasiv (IPE)	12	34	95	91	49	93	51	22	112	**559**	53
Humane Transmissible spongiforme Enzephalopathien (sCJD, gCJD, erworbene CJD) (g)	0	1	2	1	0	1	1	1	1	**8**	8
Trichinella spiralis (Trichinose)	0	0	0	0	0	0	0	0	3	**3**	0

Variola Virus (Pocken)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	**0**	0
Vibrio cholerae (Cholera)	0	0	0	0	0	0	0	0	1	**1**	0
West-Nil Virus (West Nil Fieber)	0	0	2	1	0	0	0	0	5	**8**	0
Yersinia enterocolitica (Yersiniose) (h)	6	8	19	21	4	23	11	8	30	**130**	0
Yersinia pestis (Pest)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	**0**	0
Zikavirus (Zika-Virus Infektion)	0	0	1	0	0	0	0	0	0	**1**	0
Sonstiges											
Bissverletzung	0	10	0	0	0	0	0	0	16	**26**	0
Sonstige darmpathogene E. coli Stämme (E.coli Enteritis)	4	0	114	19	3	4	2	5	8	**159**	2
Norovirus (Norovirus-Gastroenteritis) (i)	125	5	406	398	5	308	286	121	292	**1946**	9
Rotavirus (Rotavirus-Gastroenteritis)	6	0	118	143	0	106	16	42	95	**526**	0
sonstige invasive bakterielle Erkrankung (Meningitis, Sepsis)	6	4	7	3	0	1	1	1	16	**39**	12
sonstige virusbedingte Meningoencephalitis	3	14	51	11	0	27	9	14	10	**139**	2
S. agalactiae (Streptokokkenmeningitis Gruppe B bei Neugeborenen)	0	0	0	0	0	1	0	0	0	**1**	0
sonstige bakterielle Lebensmittelvergiftung	0	11	99	0	0	2	0	0	6	**118**	0
sonstige virale Lebensmittelvergiftung	0	0	99	0	0	55	1	0	10	**165**	0

Streptokokken A (Scharlach) (j)	1	1	1	1	0	0	6	1	0	**11**	0

Der Prozess der Datenqualitätssicherung und die noch ausstehende Ergebnisse von mikrobiologischen Untersuchungen können zu geringfügigen Änderungen der endgültigen Anzahl von Fällen der meldepflichtigen Krankheiten führen.

(a) Clostridium difficile: Die jahresaggregierte Anzahl von Fällen des *Clostridium difficile*-Nachweises (i.e.) im Stuhl beinhaltet neben den Fällen von schwerer Infektion (letzteres im Sinne der Meldeverpflichtung) auch Fälle von asymptomatischer Kolonisation und milder Infektion (da verpflichtende Arztmeldung nicht immer vorhanden).

(b) Diphtherie-Toxin bildendes Corynebacterium diphtheriae, ulcerans, pseudotuberculosis: In der Fallzahl sind 11 asymptomatische Fälle nicht enthalten.

(c) Echinokokkose ssp.: Die Fallzahl beinhaltet Echinococcus granulosus, Echinococcus multilocularis und Echinococcus nicht spezifizierbar.

(d) Hepatitis B Virus**:** beinhaltet die neu bzw. erstmalig diagnostizierten Fälle von HBV-Infektion. Für Meldungen, die derzeit noch mit keiner Arztmeldung versehen sind, kann das Zutreffen des Melde-Kriterium "neu bzw. erstmalig diagnostiziert" nicht garantiert werden (HBV-infektion ohne Arztmeldung: n: 79).

(e) Hepatitis C Virus: beinhaltet die neu bzw. erstmalig diagnostizierten Fälle von HCV-Infektion (inkludiert gegenwärtig noch jene Fälle mit HCV-spezifischer Antikörperreaktion ohne Bestätigung durch HCV-RNA Nachweis). Für Meldungen, die derzeit noch mit keiner Arztmeldung versehen sind, kann das Zutreffen des Melde-Kriterium "neu bzw. erstmalig diagnostiziert" nicht garantiert werden (HCV-infektion ohne Arztmeldung: n: 171).

(f) Mycobacterium tuberculosis complex: maximal mögliche Nachverfolgungszeit beträgt 36 Monate nach Therapiestart.

(g) Transmissible spongiforme Enzephalopathien: es handelt sich bei allen 8 Fällen um sporadische CJK.

(h) Yersinia enterocolitica: bei ausschließlich molekularbiologischer Identifikation von Yersinia spp. kann keine Aussage über Humanpathogenität getroffen werden: n: 20

(i) Norovirus: beinhaltet auch Fälle ohne Beweis eines Zusammenhanges mit dem Verzehr von Lebensmittel

(j) Streptokokken A: laborbestätigter Fall einer Infektion und Vorliegen einer Symptomatik

*Tödlicher Ausgang innerhalb von 30 Tagen nach Erkrankungsbeginn mit Ausnahme Tuberkulose siehe "f"